

A04la_transformation

Public template

generated from [BioDataScience-Course/A05la_transformation](#)

1 Branch

2 Tags

Go to file

About

Go to file

Code

GuyliannEngels

improvement of...

d01dba7 · 2 years ago

7 Commits

tests

correction ...

2 years ago

.Rbu...

Initial com...

2 years ago

.cor...

Version 20...

2 years ago

.cor...

improveme...

2 years ago

.giti...

Version 20...

2 years ago

.pim...

improveme...

2 years ago

.pim...

improveme...

2 years ago

A04I...

Rproj rena...

2 years ago

DES...

Version 20...

2 years ago

LICE...

Initial com...

2 years ago

REA...

Version 20...

2 years ago

cora...

Version 20...

2 years ago

pim...

improveme...

2 years ago

Projet individuel du module 4 de SDD I :
transformation des données

- Readme
- View license
- Activity
- Custom properties
- 0 stars
- 2 watching
- 1 fork
- Audit log
- Report repository

Releases

1

Version for academic year 20...

Latest

now

Packages

No packages published
[Publish your first package](#)

Contributors

2

GuyliannEngels

Guyliann Engels

README

License

Importation et remaniement des données

R 86.5%

Makefile 13.5%

Ce projet nécessite d'avoir assimilé l'ensemble des notions du
quatrième module du cours de science des données biologiques 1 II

quatrième module du cours de sciences des données biologiques. Il correspond au dépôt GitHub https://github.com/BioDataScience-Course/A041a_transformation. Il est distribué sous licence [CC BY-NC-SA 4.0](#).

Objectifs

Ceci est **individuel**, **court** et **cadré**. Il permet de démontrer que vous avez acquis les compétences suivantes :

- Être capable d'importer des données depuis différents formats et différentes sources avec la fonction `read()` .
- Maîtriser le remaniement de données, filtrer un tableau et le résumer pour en extraire l'information importante.
- Comprendre et utiliser l'opérateur `%>%` pour le chaînage des instructions.

Consignes

Complétez les zones manquantes dans les fichiers `coral.qmd` et `pima.qmd` . Compilez les versions finales au format HTML. Vous avez une batterie de tests à votre disposition (onglet "Construire" -> bouton "Construire tout") pour vérifier l'état de votre travail. Note : utilisez ces tests à la fin. Concentrez-vous d'abord sur vos analyses, puis faites un rendu final des documents lorsque tout est complété, et seulement après, utilisez les tests. Il est contre-productif d'activer les tests à chaque nouvelle ligne de code ajoutée dans votre document ! Assurez-vous que vos documents Quarto compilent sans erreurs à la fin de votre travail (**très important : un document qui ne compile pas sans erreur devra être sanctionné de manière importante**). Vérifiez aussi à la fin que vos derniers commits ont bien été pushés sur GitHub.

Croissance de coraux en mésocosme

Complétez le fichier `coral.qmd` en suivant les instructions qui s'y trouvent. Le tableau de données est disponible via le lien suivant :

trouvent. Le tableau de données est disponible via le lien suivant :

<https://filedn.com/lzGVgfOGxb6mHFQcRn9ueUb/coral/corals.csv>

Le jeu de données reprend des mesures de croissance de différentes espèces de coraux. La masse des coraux est mesurée au début de l'expérience (temps t_0) puis une seconde fois après sept jours (temps t_7). Les variables du jeu de données sont :

- **localisation** : aquarium dans lequel la bouture de corail est placée. Les installations sont composées de deux unités indépendantes (A et B) et de plusieurs aquariums par unité, reliés entre eux,
- **species** : espèce étudiée,
- **id** : code de la bouture de corail,
- **salinity** : salinité mesurée en t_7 , grandeur sans unité,
- **temperature** : température mesurée dans l'eau en t_7 , en °C,
- **date** : date de la mesure en t_7 ,
- **time** : nombre de jours écoulés entre la mesure initiale et finale,
- **gain** : gain de masse entre t_0 et t_7 , en g